

СВЕДЕНИЯ О ВЕДУЩЕЙ ОРГАНИЗАЦИИ
на диссертацию Поповой Александры Антоновны
«Биологическая активность вторичных метаболитов бактерий - летучих органических соединений и небелковой аминокислоты бета-N-метиламин-L-аланина», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 – «Генетика» (биологические науки)

Официальное полное наименование: Федерального государственного учреждения
Федеральное государственное бюджетное учреждение науки
Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук
Сокращенное наименование: ИОГен РАН
Почтовый адрес: 119991, ГСП-1 Москва, ул. Губкина, д. 3
Телефон: +7 (499) 135-62-13
Факс: +7 (499) 132-89-62
Email: iogen@vigg.ru
Сайт: www.vigg.ru
ВРИО директора Института: Кудрявцев Александр Михайлович, доктор биологических наук

Список основных публикаций сотрудников ведущей организации в рецензируемых изданиях по теме исследования за последние 5 лет:

1. Salnikova L.E. Clinicopathologic Characteristics of Brain Tumors Are Associated with the Presence and Patterns of TP53 Mutations: Evidence from the IARC TP53 Database. // Neuromolecular Med. 2014 Jan 31. doi: 10.1007/s12017-014-8290-1 – IF 4.492
2. Khadzhieva MB, Lutcenko NN, Volodin IV, Morozova KV, Salnikova LE. Association of Oxidative Stress Related Genes with Idiopathic Recurrent Miscarriage. // Free Radical Research. 2014;48(5):534-541. doi:10.3109/10715762.2014.891735 – IF 3.279
3. The FANTOM Consortium and the RIKEN PMI and CLST (DGT), в том числе сотрудники ИОГен Иван Кулаковский, Юлия Медведева, Александр Фаворов, Артем Касьянов, Илья Воронцов и Всеволод Makeev: A promoter-level mammalian expression atlas // Nature 507, 462–470 (27 March 2014) -- IF 38.597
4. Levitsky VG, Kulakovskiy IV, Ershov NI, Oschepkov DY, Makeev VJ, Hodgman TC, Merkulova TI. Application of experimentally verified transcription factor binding sites models for computational analysis of ChIP-Seq data. BMC Genomics. 2014 Jan 29;15(1):80. -- IF 4.40
5. Sachkova MY, Slavokhotova AA, Grishin EV, Vassilevski AA. Genes and evolution of two-domain toxins from lynx spider venom. FEBS Lett. 2014 Jan 23. pii: S0014-5793(14)00044-1. doi: 10.1016/j.febslet.2014.01.018. -- 3.582
6. Slavokhotova AA, Rogozhin EA, Musolyamov AK, Andreev YA, Oparin PB, Berkut AA, Vassilevski AA, Egorov TA, Grishin EV, Odintsova TI. Novel antifungal α -hairpinin peptide from *Stellaria media* seeds: structure, biosynthesis, gene structure and evolution. Plant Mol Biol. 2014 Jan; 84(1-2):189-202. doi: 10.1007/s11103-013-0127-z. -- IF 3.518
7. Permina EA, Medvedeva YA, Baek PM, Hegde SR, Mande SC, Makeev VJ. Identification of self-consistent modulons from bacterial microarray expression data with the help of structured regulon gene sets. J Biomol Struct Dyn. 2013; 31(1):115-24.

8. Utkina LL, Andreev YA, Rogozhin EA, Korostyleva TV, Slavokhotova AA, Oparin PB, Vassilevski AA, Grishin EV, Egorov TA, Odintsova TI. Genes encoding 4-Cys antimicrobial peptides in wheat *Triticum kiharae* Dorof. et Migush.: multimodular structural organization, intraspecific variability, distribution and role in defence. *FEBS J*. 2013 Aug; 280(15):3594-608.
9. Klimina KM, Kjasova DK, Poluektova EU, Krügel H, Leuschner Y, Saluz HP, Danilenko VN. Identification and characterization of toxin-antitoxin systems in strains of *Lactobacillus rhamnosus* isolated from humans. *Anaerobe*. 2013.22:82-9.
10. Poluektova EU, Yunes RA, Epiphanova MV, Orlova VS, Danilenko VN. The *Lactobacillus rhamnosus* and *Lactobacillus fermentum* strains from human biotopes characterized with MLST and toxin-antitoxin gene polymorphism. *Arch Microbiol*. 2017. doi: 10.1007/s00203-017-1346-5.
11. Yunes RA, Poluektova EU, Dyachkova MS, Klimina KM, Kovtun AS, Averina OV, Orlova VS, Danilenko VN. GABA production and structure of *gadB/gadC* genes in *Lactobacillus* and *Bifidobacterium* strains from human microbiota. *Anaerobe*. 2016. 42:197-204.
12. Krügel H, Klimina KM, Mrotzek G, Tretyakov A, Schöfl G, Saluz HP, Brantl S, Poluektova EU, Danilenko VN. Expression of the toxin-antitoxin genes *yefM(Lrh)*, *yoeB(Lrh)* in human *Lactobacillus rhamnosus* isolates. *J Basic Microbiol*. 2015. 55(8):982-91.
13. О. В. Аверина, В. Н. Даниленко. Микробиота кишечника человека: роль в становлении и функционировании нервной системы. *Микробиология*. 2017. 86(1): . 5–24
14. Zaychikova MV, Zakharevich NV, SagaidakMO, Bogolubova NA, Smirnova TG, AndreevskayaSN et al. Mycobacterium tuberculosis Type II Toxin-Antitoxin Systems: Genetic Polymorphisms and Functional Properties and the Possibility of Their Use for Genotyping. *PLoS ONE*. 2015. 10(12): e0143682.

Заместитель директора по научной работе
Доктор биологических наук, профессор

С.К.Абилев